

Filière Santé

PLATEFORME Spectrométrie de masse de l'IBS/ISBG

Description

Analyse de protéines par spectrométrie de masse haute résolution : peptides et petites molécules, Spectrométrie de Masse Haute Résolution, Spectrométrie de Masse Native, LC-ESI-TOF, MALDI-TOF/TOF, protéolyse ménagée

Expertises mises à disposition des entreprises

- Détermination du poids moléculaire de biomolécules
- Contrôles des protéines
- Séquençage de protéines
- analyse de complexes protéiques

Activités majeures ou services

- Analyses de routine (Contrôle Qualité)
- Projets de collaboration R&D

Equipements

- ESI QTOF MS, 6545 XT, m/z 50-10'000, resolution : > 40'000, coupled with HPLC
- MALDI TOF MS, Autoflex maX TOF/TOF, (linear and reflectron mode), m/z up to 500 kDa (linear mode), resolution : up to 20'000 (reflectron mode)
- High mass ESI Q-TOF MS, Ultima, m/z 1500-32'000

Chiffres clés

3

Spectromètres de
masse haute-
résolution

1-2

Semaines de
délai



Lieu et établissement(s)

Grenoble, IBS/ISBG

Contact

Elisabetta Boeri-Erba
eboeri@ibs.fr

